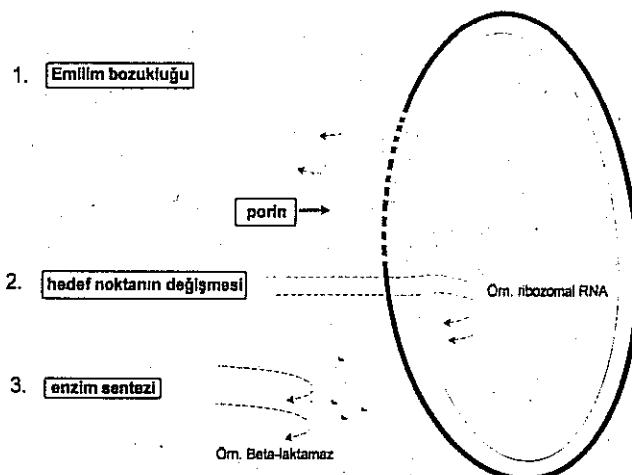


Antibiyotik Direnç Mekanizmaları

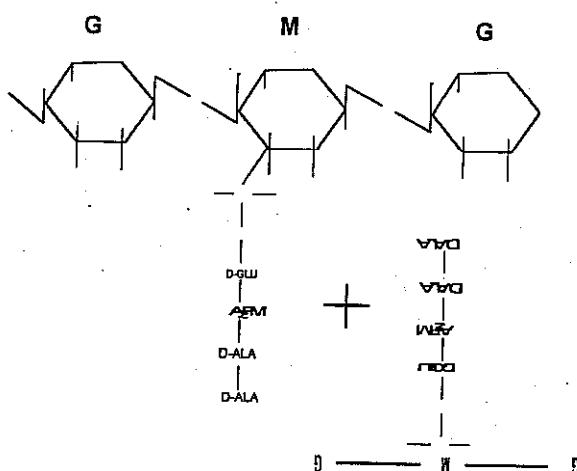
M. Haluk Vahaboglu

Hedef Nokta Değişiklikleri

Bakteriler antibiyotiklere karşı üç temel mekanizma ile direnç geliştirirler (Şekil 1). Birincisi antibiyotiğin hedef noktasında oluşan değişikliklerdir. Hedef noktanın değiştirilmesine rifampisin direnci iyi bir örnektir. Rifampisin bakterilerin RNA polimeraz enziminin β 'subünitine (rpoB) etki eder (1). Tedavi sırasında rpoB'de oluşan mutasyonlar sonucu rifampisine afinitesi olmayan RNA polimeraz enzimi sentez edilir. Bu enzim bakterinin yaşa-



Sekil 1. Antibiyotik direnc mekanizmaları



Sekil 2a. Transpeptidaz reaksiyonu

Şekil 2b. Mürein tabakasının çapraz bağlanması

min sürdürümesine yettiği gibi antibiyotik de direnç gelişmiş olur.

Hedefe Ulaşmanın Sınırlanması

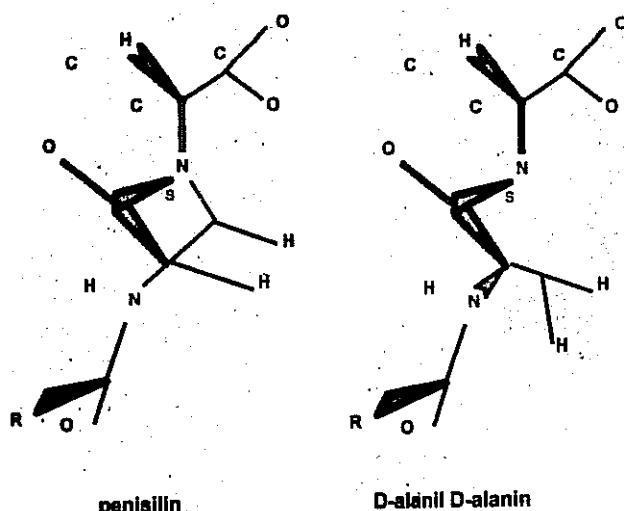
İkinci yol antibiyotığın hedefe ulaşmasının, yani bakteriye girişinin sınırlanmasıdır. Orneğin aminoglikozid antibiyotikler bakterilerin protein sentezini bozar ve bu etkiyi oluşturmak için özel bir absorpsiyon ve transport mekanizması ile ribozomlara ulaşır (2). *Enterococcus* türleri için böyle bir mekanizma söz konusu olmadığından bu bakteriler aminoglikozid antibiyotiklere karşı doğal olarak dirençlidir. Girişin sınırlanarak direnç oluşması tedavi sırasında da olabilir. Gram-negatif enterik komplikasyonların oluşturukları infeksiyonların sefotaksim, ya da diğer antibiyotiklerle tedavisi sırasında porin adı verilen kanalların mutasyon sonucu değişmesi dirence yol açmaktadır (3).

Antibiyotiğin Etkisizlestiren Enzimler

Üçüncü mekanizma antibiyotigi etkisizlestiren enzim sentez edilmesidir. Bakterilerin β -laktamaz denilen enzimler salgılıyarak direnç geliştirmeleri de bu tür dirence bir örnektir.

β-Laktam Antibiyotiklerin Etki Mekanizması

β -laktam antibiyotikler yan etkilerinin azlığı ve bakterisid olmaları ile en sık başvurulan antibiyotik grubudur. Bakterilerin peptidoglikan tabakasının sentezini bozarak etki ederler. Bakterilerin hücre duvarında yer alan peptidoglikan (murein) tabakası mikroorganizmanın yapısını ve bütünlüğünü sağlar ve çoğu kez yaşam için gereklidir. Bu tabaka peptidoglikan tabakasının kısa peptid zincirleri ile birbirlerine çapraz bağlanmaları sonucu bütünselleşir. Bu çapraz bağlantı ise N-asetilmuramik asidin yapısında yer alan D-alanil-D-alanin moleküllerinin transpeptidaz reaksiyonu ile birleşmeleri sonucu olur (Şekil 2). Transpeptidaz re-

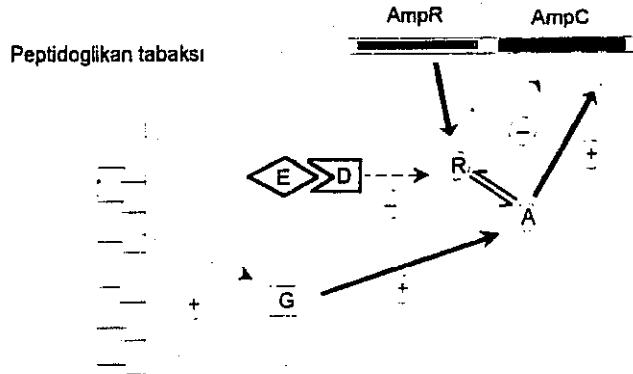


Şekil 3. D-alanil D-alanin ve penisilin moleküllerinin uzaydaki konfigürasyonu

aksiyonunu oluşturan enzimlere penisilin bağlayan proteinler (PBP) adı verilir. β -laktam antibiyotiklerin temel hedefi işte bu PBP'lerdir (4). β -laktam antibiyotiklerin yapısı ve uzaydaki konfigürasyonu D-alanil-D-alanin moleküline çok benzemektedir (Şekil 3). Bu benzerlik β -laktam antibiyotiklerin PBP'lerle reaksiyona girmelerini ve transpeptidasyonu D-alanil-D-alanin molekülinin yerini alarak engellemelerini sağlar (5). Hücre duvar yapısı oluşturan fakat peptidoglikan sentezi stören bakterinin ototitik enzimleri denetimsiz bir biçimde etkin duruma geçer ve hücrenin parçalanmasına neden olur.

β -Laktamazlar

Bakteriler bu antibiyotik grubuna karşı çoğu kez β -laktamaz denilen enzimleri sentezleyerek direnç geliştirirler. Bu enzim β -laktam halkasındaki amid bağını parçalayarak etki eder. Bir mikroorganizmanın β -laktamaz yaptığı ilk kez 1940 yılında bildirilmiştir (6). O yıllarda antibiyotiklerin kullanımı yeni girmekte oldukları düşünürsek bu enzimlerin bakterilerdeki doğal ürünlerin mutasyonla değişmiş türevleri olabilecekleri anlaşılmıştır. Bu enzimler kromozomal kökenli olabileceği gibi plazmid ya da transpo-



Şekil 4. CEP-N grubu β -laktamazlarının induksiyon mekanizması

zon denilen mobil genetik elemanlar üzerinde de kodlanabilir. Bu mobil genetik elemanların yayılması çok kolay olmaktadır. Selektif antibiyotik baskısı duyarlı suşların yok olup dirençli suşların seçilmesine neden olmaktadır. Eğer ortam, hastaneler gibi, çok antibiyotik kullanılan bir yerse direnci kodlayan bu genetik elemanlar kolaylıkla seçiliip yayılacaktır.

β -Laktamazların Sınıflandırılması

β -laktamazların birçok sınıflandırması yapılmıştır; ancak bunlardan en yaygın kullanılanları Richmond ve Sykes (7) sınıflaması ve son olarak da Karen Bush'un önerdiği şemadır (8). Richmond ve Sykes substrat profili, kloksasilin ya da para-kloromerkuribenzoat ile inhibe olma, molekül ağırlığı, izoelektrik noktaları ve plazmid üzerinde ya da kromozomal olmalarına göre bu enzimleri 5 gruba ayırmıştır. Bush sınıflamasında β -laktamazlar klavulanik asidle inhibe olma ve aktivasyon için metal iyonlarına gereksinim duyma gibi özelliklerle dört gruba ve substrat profili, izoelektrik nokta gibi özelliklerle de alt gruplara ayrılr (Tablo 1). Birinci grup klavulanik asidle inhibe olmayan indüklenebilten Gram-negatif çomakların sefaloспорinazlarını içerir. İkinci büyük grup ise klavulanik asid ile inhibe olan Gram-negatif ve pozitif bakterilerin kromozomal ya da plazmid kökenli enzimleridir. Üçüncü grup klavulanik asid ile inhibe olmayan, EDTA ile inhibe olan aktivasyonu için özellikle çinko olmak üzere metal iyonlarına gereksinim duyan metalloenzimlerdir ve bu enzimler imipenem direncine yol açmaları ile önem kazanır. Son grup ise klavulanik asid ile inhibe olmayan penisilinazlardır.

Hastane İnfeksiyonları ve β -Laktamazlar

Bu yazda özellikleri dolayısıyla hastane infeksiyonlarında sorun yaratan iki enzim grubu üzerinde durulacaktır. Bu iki grup enzim, sık karşılaşılması, yayılma özellikleri ve yol açıkları tedavi sorunları ile dikkat çekicidir. Birincisi, grup 1, yani indüklenebilten sefaloспорinazlar (CEP-N); ikincisi ise grup 2b', yani genişlemiş spektrumlu β -laktamazlar ("extended broad spectrum β -lactamases", EBS-Y) olarak adlandırılan, monobaktamlara ve üçüncü kuşak sefaloспорinlere karşı direnç sağlayan gruptur.

Tablo 1. β -laktamazların Sınıflandırılması

| Grup | Altbaşlık | Substrat | İnhibe olma | | |
|------|-----------|--|-------------|-------|---|
| | | | Klavul | EDTA | Temsil eden enzim |
| 1 | CEP-N | sefaloспорinler | hayır | hayır | Enterik basillerin indüklenebilten sefaloспорinazları |
| 2a | PEN-Y | penisilinler | evet | hayır | Gram-pozitif bakterilerin penisilinazları |
| 2b | BDS-Y | penisilin/sefaloспорinler | evet | hayır | TEM-1-TEM-2, SHV-1 |
| 2b' | EBS-Y | sefaloспорinler/ penisilinler sefotaksim | evet | hayır | TEM-3, TEM-2, SHV-2, SHV-6 |
| 2c | CAR-Y | penisilinler karbenisilin | evet | hayır | PSE-1, PSE-4, CARB-1 |
| 2d | CLX-Y | penisilinler kloksasilin | evet | hayır | OXA-1, OXA-7 |
| 2e | CEP-Y | sefaloспорinler | evet | hayır | <i>Proteus vulgaris</i> , <i>B. fragilis</i> |
| 3 | MET-N | değişik | hayır | evet | <i>B. cereus</i> II, <i>X. maltophilia</i> |
| 4 | PEN-N | penisilin | hayır | ? | <i>P. cepacia</i> , <i>B. fragilis</i> |

CEP-N grubu: Gram-negatif çomakların indüklenebilen sefalosporinazları, yani CEP-N grubu β -laktamazlar, *AmpC* geni olarak bilinen ve hemen tüm enterik Gram-negatif çomaklarda var olan kromozomal bir genetik lokustan kaynağını alır. Bu bölge *AmpR* olarak adlandırılan bir komşu genetik lokusun varlığında indüklenebilme özelliği kazanır (9). Aksi takdirde antibakteriyel direnç oluşturacak kadar enzim sentezi olmaz. *Enterobacter*, *Citrobacter freundii*, *Morganella morganii*, *Serratia marcescens*, *Proteus rettgeri*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Acinetobacter calco-aceticus* susları *AmpR* lokusunu taşıyabildikleri için indüklenebilen sefalosporinaz (CEP-N) yaparlar. Bu enzimin fazla salgılanması *AmpD* adı verilen bir genetik lokusun denetimi altındadır (Şekil 4). Bu lokusun ürünü olan bir protein, *AmpR* gen ürünlerinin aktive olmasını engeller. *AmpD* bölgesinde mutasyon olan ve bu bölgenin baskısı kalkmış olan bakteriler ya aşırı CEP-N yapar ya da aşırı indüklenebilen ("hyperinducible") denilen, en ufak bir uyarıda indüklenen ve aşırı CEP-N yapan bakteriler haline dönüşür ki bu da kolaylıkla penisilinlere, sefalosporinlerin tümüne ve monobaktamlara direnç, demektir.

Klinik ortamında böyle CEP-N yapabilen bakteriler karşımıza, ya stabil olarak dereprese mutantlar (SDM), yani kararlı bir biçimde fazla enzim yapan mutantlar; ya aralarında SDM taşıyan ancak bunlar sayıca az olduğu için rutin testlerle saptanamayan ya da sesoksinin, imipenem gibi indükleysici antibiyotiklerle karşılaştıklarında aşırı enzim yapan bakteriler olarak çıkar. Rutin antibiyotik duyarlılık testleri ile son iki örneği ortaya çıkarmak mümkün değildir. Örneğin indüklenebilen sefalosporinaz yapan bir *Enterobacter cloaceae* antibiyotik duyarlılık testlerinde üçüncü kuşak sefalosporinlere ya da monobaktamlara duyarlı görünebilir; ancak az sayıda da olsa fazla enzim yapan SDM taşıyorsa tedavi sırasında bu dirençli mutantların seçilmeye uğraması ile klinik başarısızlık ortaya çıkabilir. Bu durum ya disk difüzyon testinin değişik bir antibiyotik dizilimi ile yapılması ya da mikroorganizmanın adının doğru konulması sonucu o mikroorganizmanın CEP-N yapabileceğini bir olasılık olarak düşünüldüp klinisyenin uyarılması ile önlenebilir.

EBS-Y grubu: ikinci önemli grup olan ve ilk kez 1983 yılında Almanya'dan bildirilen EBS-Y, Bush sınıflamasında 2b' olarak geçer (10). 20'den fazla türü olan ve gün geçtikçe yenileri bulunan bu enzimler üçüncü kuşak sefalosporinlere, monobaktamlara ve penisilinlere direnç geliştirirler; klavulanik asidde inhibe olurlar. TEM ya da SHV olarak adlandırılan iki genetik kaynaktan gelirler ve eski enzimlerin genetik lokuslarındaki nokta mutasyonlarıyla oluşurlar (11). Hemen tümü plazmid ya da transpozon gibi yayılabilen genetik elemanların üzerinde yer alırlar. TEM kaynaklı olanları taşıyan bakterilere sefoperazon-sulbaktam etkili olur; fakat SHV kaynaklı olanlar sulbaktam ile inhibe olmazlar (12).

Bu grubun en önemli özelliği kolaylıkla yayılabilir olması ve hastane infeksiyonlarında sorun oluşturmasıdır. Çoğu kez üçüncü kuşak sefalosporinlere dirençli ve klavulanik aside duyarlı olmaları ile rutin testlerde taminabilirlerse de az enzim sentezi eden mutantlar üçüncü kuşak sefalosporinlere ya da monobaktamlara duyarlı sanılabilirler. *In vivo* koşullarda bu antibiyotiklerin kullanımı fazla enzim yapan mutantların seçilmesi ile tedavi başarısızlığına neden olabilir. Bu olasılığı ortadan kaldırmak, yani az enzim yapan bakterileri de tanıyalım için özel bir antibiyotik disk dizilimi ile yapılmış difüzyon testinden yararlanılabilir. Bu özel disk dizilimi içinde yer alan çift diskli sinerji ("double-disc

synergy") testi, EBS β -laktamaz yapan susların % 80'inden çoğunu saptayabilmektedir. Yapılan çalışmalar normal koşullarda yapılan antibiyotik duyarlılık testlerinde EBS β -laktamaz yapan bakterilerin hemen yarısının tanınmadığını ve yanlış olarak üçüncü kuşak sefalosporinlere ve monobaktamlara duyarlı bulunduklarını göstermektedir (13). Başka bir deyişle vakaların yarısı ashında dirençli oldukları halde yanlışlıkla duyarlı olarak bildirilmektedir.

β -laktam antibiyotiklere karşı gelişen direnç çoğu kez bir enzim sentezlenmesi ile olmaktadır ve bu tür direncin oluşmasına neden olan genetik elemanlar yayılıp başka türlere de geçme özelliğine sahiptir (14). Direncin artarak yayılması hastane infeksiyonlarının ve bazen de toplumda edinilmiş infeksiyonların tedavisini daha zor, pahalı ve içinden çıkmaz hale getirmektedir. Bu tehlikeli gidisi yavaşlatmak için β -laktamazları ana çizgileriyle anlayıp genetik temellerini kavramak ve onları izlemek zorundayız. Özellikle CEP-N ve EBS-Y grubunun sorumlu olduğu direncin izlenmesi ve yaygınlığının bilinmesi, ülkemizdeki, özellikle büyük eğitim hastanelerindeki antibiyotik kullanım politikalarına da işik tutabilir.

Kaynaklar

1. Silver LL, Bostian KA. Discovery and development of new antibiotics: the problem of antibiotic resistance. *Antimicrob Agents Chemother* 1993; 37:377-83
2. Hancock REW. Aminoglycoside uptake and mode of action: with special reference to streptomycin and gentamicin. I. Antagonists and mutants. *J Antimicrob Chemother* 1981; 8: 249
3. Hopkins JM, Towner KJ. Enhanced resistance to cefotaxime and imipenem associated with outer membrane protein alterations in *Enterobacter aerogenes*. *J Antimicrob Chemother* 1990; 25: 49-55
4. Ghuyzen JM. Bacterial active-side serine penicillin-interactive proteins and domains: mechanism, structure and evolution. *Rev Infect Dis* 1988; 10: 726-32
5. Sanders CC. β -lactamases of gram-negative bacteria: new challenges for new drugs. *Clin Infect Dis* 1992; 14: 1089-99
6. Abraham EP, Chain E. An enzymic from bacteria able to destroy penicillin. *Nature (London)* 1940; 146: 837
7. Richmond MH, Sykes RB. The β -lactamases of gram-negative bacteria and their possible physiological role. *Adv Microb Physiol* 1973; 9: 31-88
8. Bush K. Characterization of β -lactamases. *Antimicrob Agents Chemother* 1989; 33: 259-63
9. Bennett PM, Chopra I. Molecular basis of β -lactamase induction in bacteria. *Antimicrob Agents Chemother* 1993; 37: 153-8
10. Knott H, Shah P, Kremery V, Antal M, Mitsuhashi S. Transferable resistance to cefotaxime, ceftoxitin, cefotandole and cefuroxime in clinical isolates of *Klebsiella pneumoniae* and *Serratia marcescens*. *Infection* 1983; 11: 315-7
11. Sougakoff W, Goussard S, Gerbaud G, Courvalin P. Plasmid-mediated resistance to third generation cephalosporins caused by point mutations in TEM-type penicillinase genes. *Rev Infect Dis* 1988; 10: 879-84
12. Jacoby GA, Carreras I. Activities of β -lactam antibiotics against *Escherichia coli* strains producing extended-spectrum β -lactamases. *Antimicrob Agents Chemother* 1990; 34: 858-62
13. Sirot DL, Goldstein FW, Sousby CJ, Courtice AL, et al. Resistance to cefotaxime and seven other β -lactams in members of the family Enterobacteriaceae. *Antimicrob Agents Chemother* 1992; 36: 1677-81
14. Rice LB, Marshall SH. Evidence of incorporation of the chromosomal β -lactamase gene of *Enterococcus faecalis* CH19 into a transposon derived from staphylococci. *Antimicrob Agents Chemother* 1992; 36: 1843-6